

## Derivatization of peptides for improved detection by mass spectrometry.

---

### Autorzy

Piotr Stefanowicz

Alicja Kluczyk

Zbigniew Szewczuk

### Redaktorzy

Ferenc Hudecz

Maxim Ryadnov

### Rok wydania

2016

### Wydawca

Royal Society of Chemistry

### Miejsce wydania

Cambridge

### Strony

36-74

### DOI

10.1039/9781782622680-  
00036

### bookChapter.title

Amino acids, peptides and  
proteins. Vol. 40.

### ISBN

978-1-78262-059-4

### Kolekcja

Naukowa

### Streszczenie

Mass spectrometry is a sensitive and specific method of proteome analysis. Various strategies are applied to increase the ionization efficiency of peptides and determine or compare their concentrations in complex samples, involving modifications introducing fixed charge for signal intensification and isotopic labeling for quantitative analysis. Scientific concepts involved in design and optimization of peptide markers, including solid phase synthesis and isotopic exchange are discussed. From the challenges related to the analysis of post-translational modifications emerge the perspectives for the development and validation of efficient derivatization reagents.

### Adres publiczny

<http://dx.doi.org/10.1039/9781782622680-00036>

Język

---

Angielski

Typ publikacji

---

Rozdział książki

Plik został wygenerowany dnia 2026-05-20 14:08:48

Adres w repozytorium <https://old.chem.uni.wroc.pl/pl/repozytorium/x6gDmuh>.